

DAFTAR ISI

HALAMAN PENGESAHAN.....	ii
KATA PENGANTAR.....	iii
ABSTRAK.....	iv
ABSTRACT.....	v
DAFTAR ISI.....	vi
DAFTAR GAMBAR.....	viii
DAFTAR TABEL.....	ix
I. PENDAHULUAN.....	1
1.1 Latar Belakang.....	1
1.2 Rumusan Masalah.....	5
1.3 Tujuan Penelitian.....	6
1.4 Manfaat Penelitian.....	6
1.4.1 Manfaat Teoritis.....	6
1.4.2 Manfaat Praktis.....	6
II. TINJAUAN PUSTAKA.....	7
2.1 Kedelai (<i>Glycine max</i> (L.) Merr).....	7
2.2 Genetika Molekuler.....	10
2.3 Bioinformatika.....	12
2.4 DNA Sekuensing & <i>Next Generation Sequencing</i> (NGS).....	12
2.5 Polimorfisme DNA.....	15
2.6 Teknik Sidik Jari DNA.....	16
2.7 <i>Single Nucleotide Polymorphism</i> (SNP).....	17
III. METODE PENELITIAN.....	20
3.1 Waktu dan Tempat.....	20
3.2 Alat.....	20
3.3 Bahan.....	20

3.4	Diagram Alir	21
3.5	Cara Kerja.....	22
3.5.1	Kompilasi Data SNP	22
3.5.2	Analisis filogeni hubungan kekerabatan kedelai.....	23
3.5.3	Pemetaan ragam genotip antar sampel kedelai pada tiap kromosom....	24
3.5.4	Identifikasi marka minimal penciri varietas kedelai Indonesia.....	25
IV.	HASIL DAN PEMBAHASAN.....	26
4.1	Keragaman Genotip Kedelai	26
4.2	Pengaruh Variasi SNP terhadap Peluruhan LD (<i>linkage disequilibrium</i>).....	29
4.3	Hubungan kekerabatan kedelai Indonesia.....	34
4.3.1	Hubungan kekerabatan kedelai antar varietas Indonesia	34
4.3.2	Sebaran kedelai varietas Indonesia di dunia	41
4.4	Peta ragam genotip kromosom kedelai.....	46
4.5	Set marka SNP penciri identitas varietas kedelai Indonesia.....	51
V.	SIMPULAN DAN SARAN.....	60
5.1	Kesimpulan	60
5.2	Saran.....	60
	DAFTAR PUSTAKA	61
	UCAPAN TERIMA KASIH.....	69
	LAMPIRAN.....	71
	DAFTAR RIWAYAT HIDUP.....	81